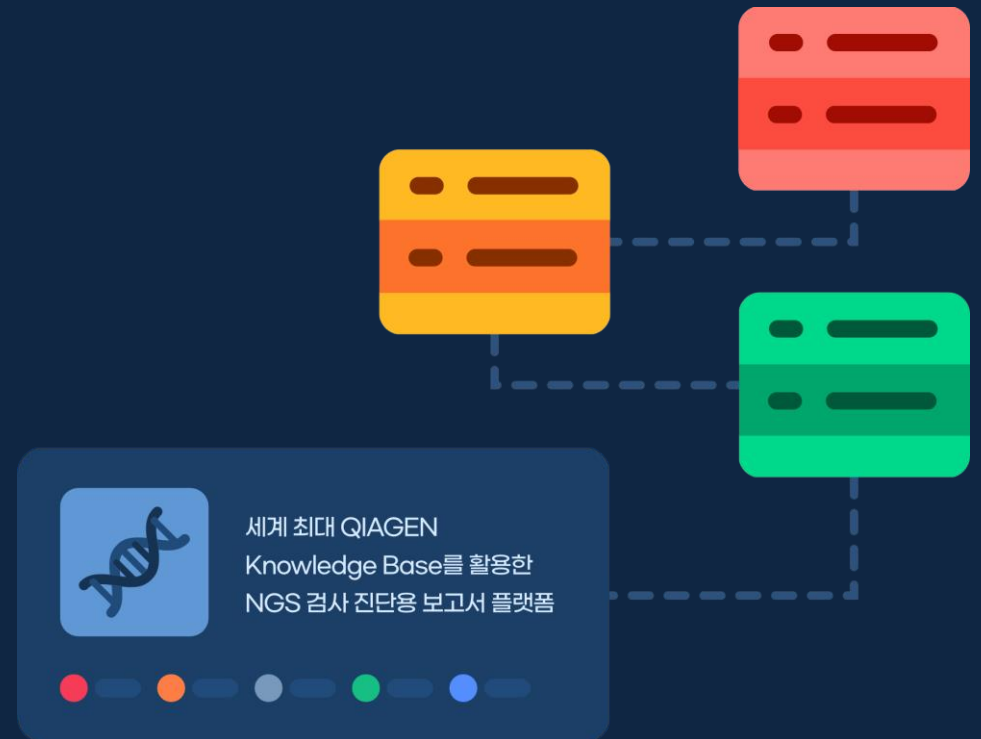


NGS 검사 진단용 보고서 플랫폼

ireport H

아이리포트 휴먼 서비스 소개서



01

서비스 소개

NGS 검사 진단용 보고서 플랫폼 ireport H

NGS 검사 판독을 위한 임상적인 변이 해석이 복잡하게 느껴지셨나요?

변이 정보 검색 부담

변이 정보를 해석하기 위해
하나씩 검색하는 시간이
엄청나게 오래 걸리네 ...

분석 환경 제약

보안상 외부 데이터베이스
접근이 불가능한데 ...

비용 부담

샘플량이 일정하지 않아
고정 비용 지출이
부담스럽네 ...

분석 결과 데이터 가공의 문제

원하는 정보만 필터링해서
추출하고 싶은데 ...

일정하지 않은 DB 업데이트 주기

최신 데이터베이스의
변이 정보를 확인하고
싶은데 ...

패널마다 제공하는 개별적인 분석툴

검사마다 다른 다양한 패널을
하나의 플랫폼에서
분석할 수 있을까?



신속하고 정확하게! ireport H



가장 간편한 NGS 샘플 분석

VCF 파일만 업로드하면 변이 정보, 표적약물 정보, 임상시험 정보까지 한 번에!



최소 정보로 안전한

변이 정보 분석을 위한 최소 정보만 사용!
외부에 데이터가 노출될 걱정은 No!



사용한 만큼 지불하는

분석한 샘플 수만큼만 결제!
불필요한 지출은 Down!



필요 정보만 볼 수 있게

직관적인 UI와 사용자 정의 컬럼 기능으로
쉽고 빠르게 필요 정보만 볼 수 있는!



신뢰할 수 있고 업데이트가 주기적인

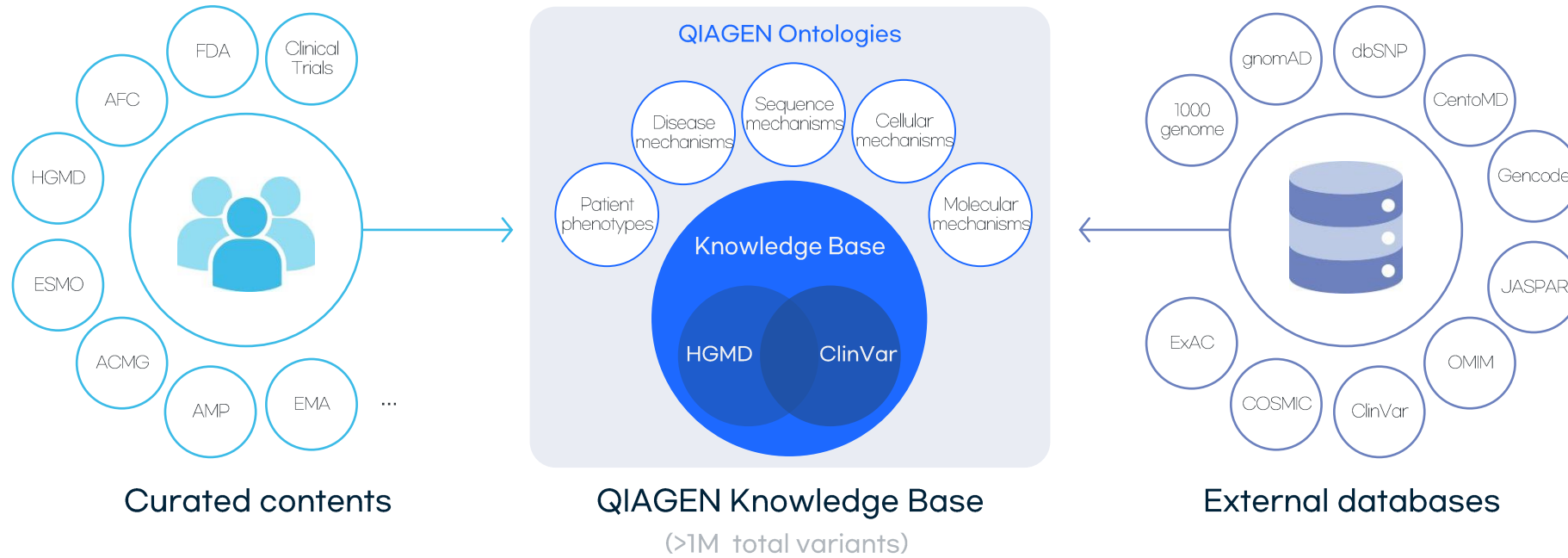
세계 최대 규모의 데이터베이스 (QIAGEN Knowledge Base) 사용으로 신뢰성은 Up!



사용하는 다양한 패널을 세팅해주는

기관별로 다른 사용 패널 정보를 기본 세팅!
Hereditary/Somatic 파이프라인 모두 OK!

ireport H는 QCII에 포함된 QIAGEN Knowledge Base를 기반으로 신뢰도 높은 결과를 제공합니다.



Over 20 years of expert curation

20,000,000 +
curated clinical findings

1,200,000 +
patient cases analyzed

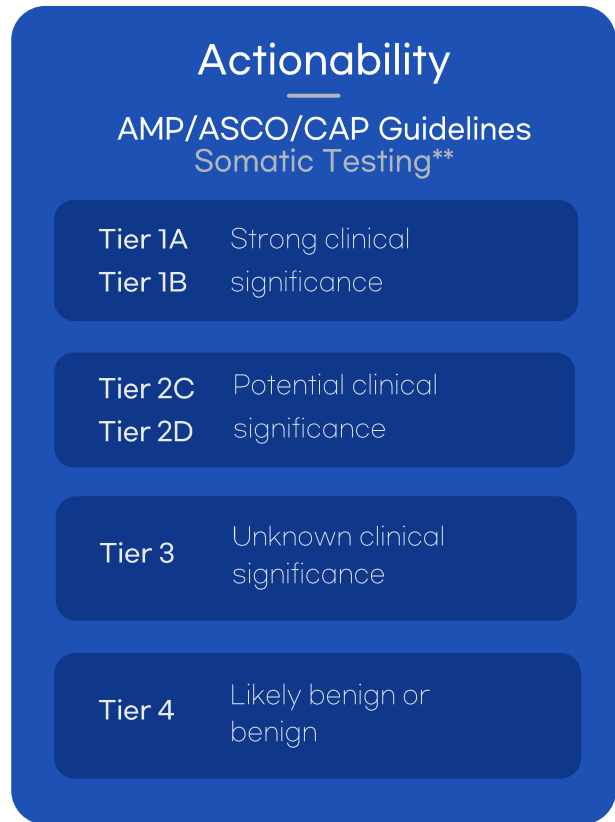
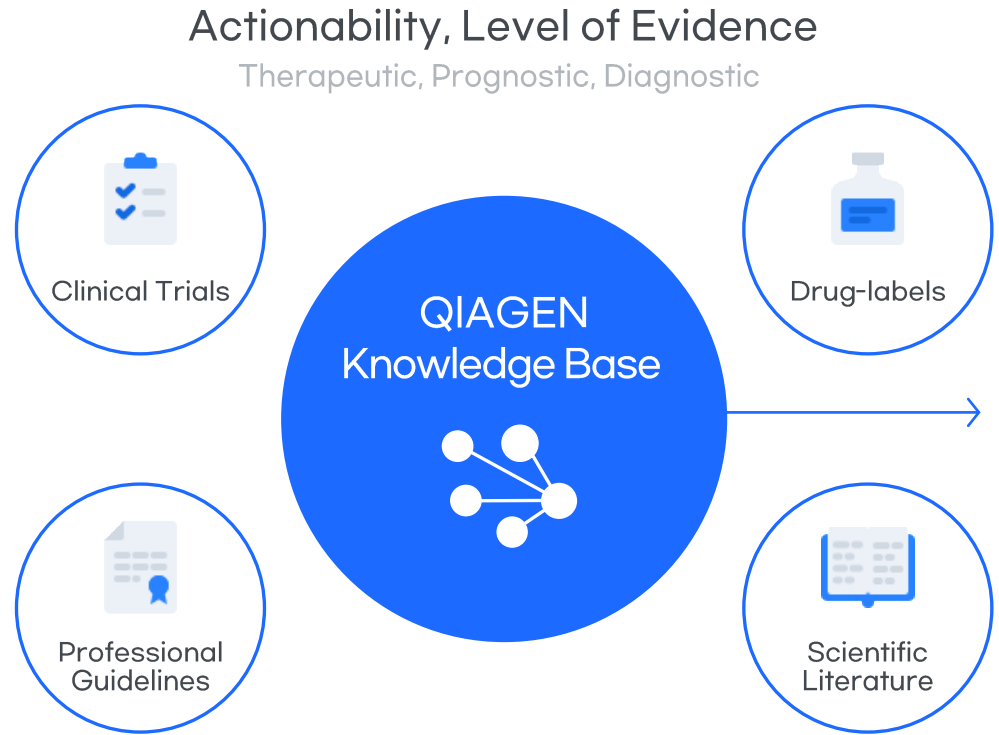
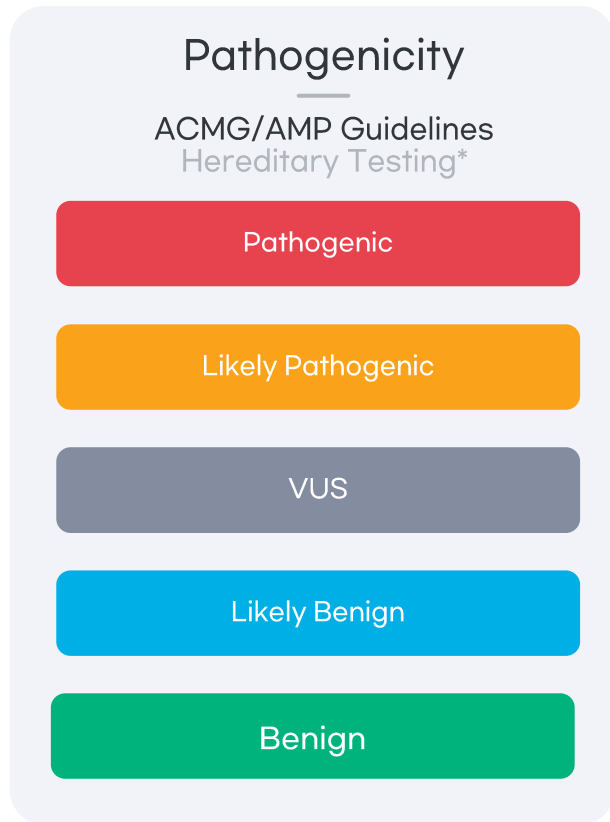
76,000 +
disease classes covered

35,000 +
citations in publications

4,000 +
articles added per month

200 +
MD and PhD level curators

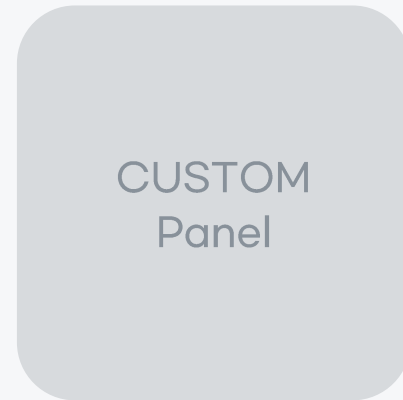
Hereditary와 Somatic 파이프라인 모두 하나의 플랫폼에서 분석 가능합니다.



* Based on 2015 ACMG guidelines, Richards S, et al., Genet Med 17 (5), 405-424, 2015

** Based on 2017 AMP/ASCO/CAP guidelines, Li Marilyn, et al. J Mol Diagn. 2017 Jan;19(1):4-23.

검사 종류에 따라 다양한 브랜드의 패널을
이용할 수 있습니다.



기관별 맞춤형 서비스 제공이 가능합니다.

NGS 검사 업무 효율 증대
 기관별 요구사항에 따른
 리포트 콘텐츠 커스터마이징과
 샘플 동시 분석 지원

자체 시스템 연동과 분석 영역 확대
 기관 자체 시스템 입력값 연계 및
 추가 NGS 연구 모듈 확장 가능
 (ex. ireport M 등)



QIAGEN Knowledge Base 활용
 20년 이상 수집된 데이터와 전문가 큐레이션을
 통한 세계 최대 규모의 생물학 및 임상 연구
 결과 기반 변이 해석

쉽고 빠른 리포트 생성
 직관적인 UI와 다양한 패널 종류에서도
 일관된 리포트 생성 프로세스 제공

02

ireport H 살펴보기

NGS 검사 진단용 보고서 플랫폼 ireport H

GUIDE 1

메인화면(대시보드)

1 사용 현황

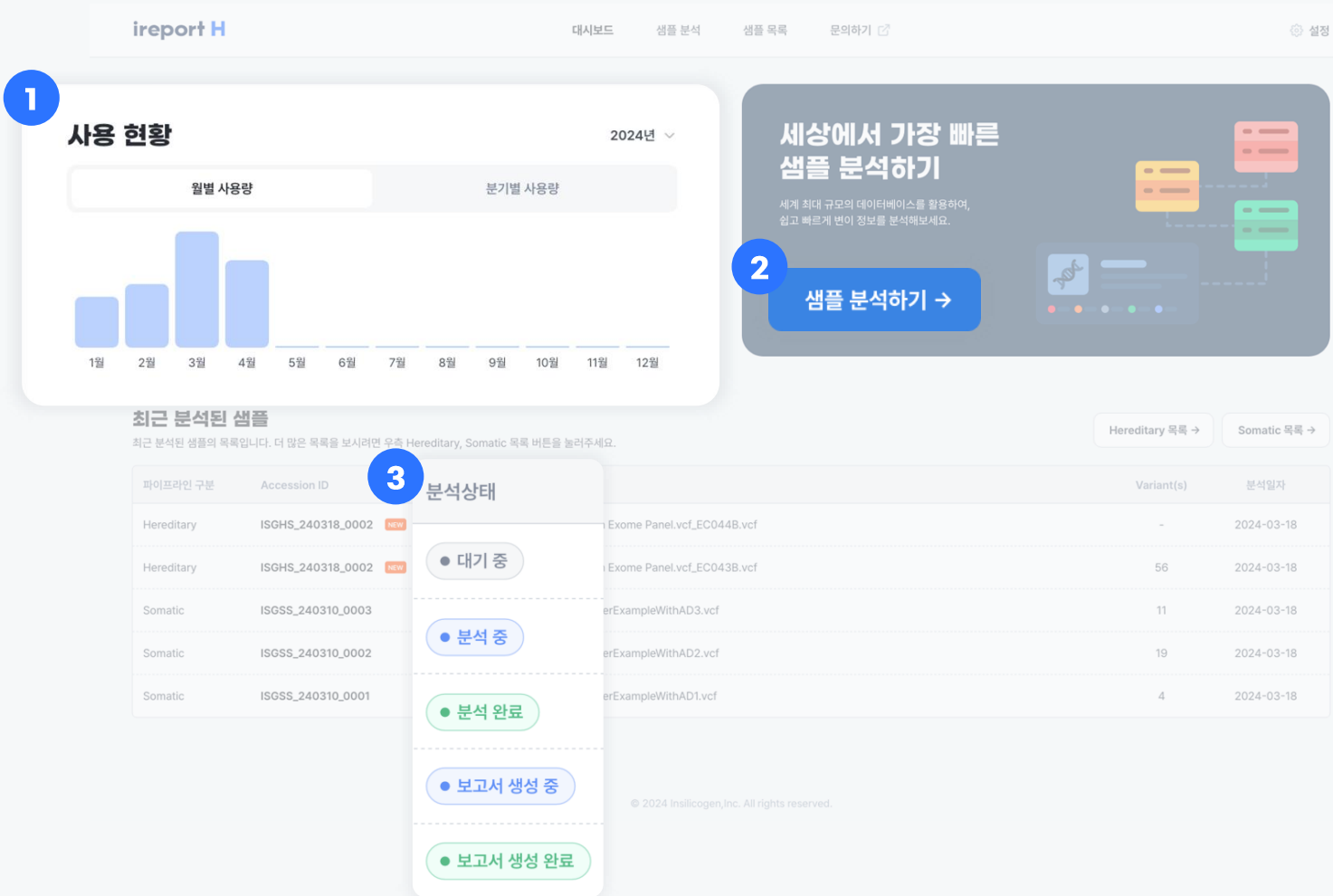
월별·분기별 사용량을 파악하고 사용한 분석만큼 지불하세요.

2 샘플 분석하기

새로운 샘플 분석을 신속하게 시작할 수 있습니다.

3 분석상태 확인

최근 분석된 샘플 목록을 통해 분석상태를 확인할 수 있습니다.



GUIDE 2

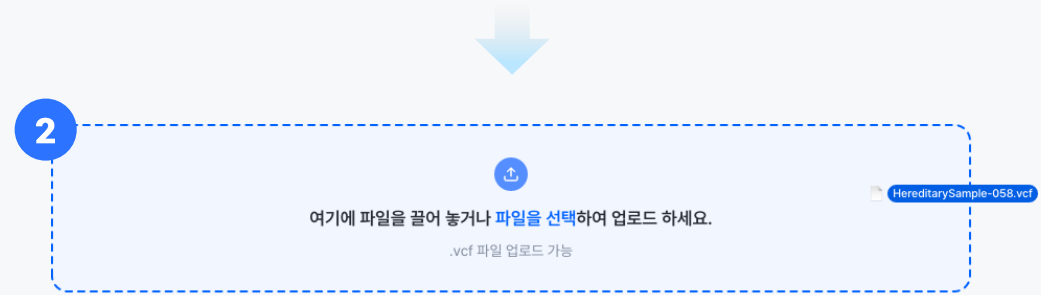
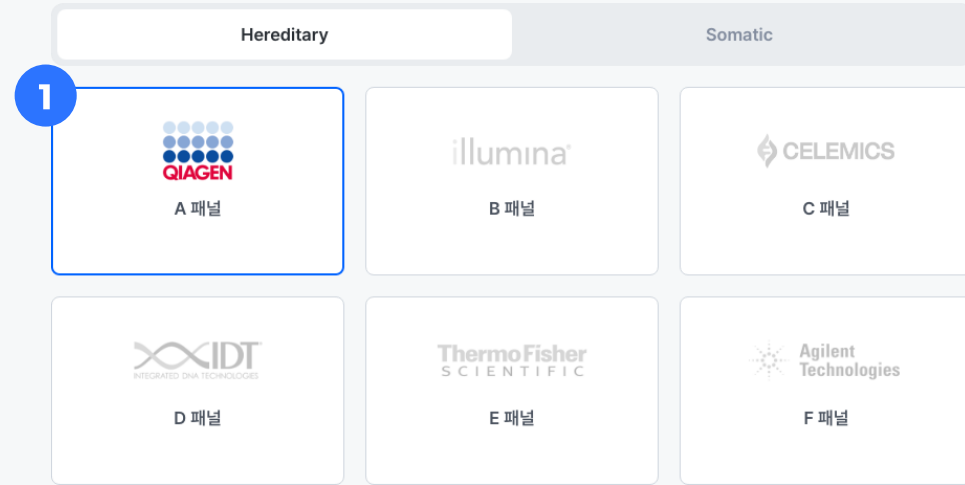
패널 선택 및 파일 업로드

1 패널 선택

기관별로 다른 사용 패널 정보를 기본 세팅!
Hereditary/Somatic 파이프라인 모두 OK!

2 파일 업로드

Drag & Drop 으로 간편하게 VCF 파일을 업로드할 수 있습니다. 여러 개의 샘플(패널이 동일한 경우)도 동시에 업로드할 수 있습니다.



업로드 파일 전체 58건 중 56건 완료

HereditarySample-057.vcf	○ 16%	× 취소
HereditarySample-058.vcf	○ 대기 중	× 취소
HereditarySample-001.vcf		🗑 삭제
HereditarySample-002.vcf		🗑 삭제

GUIDE 3

샘플 목록

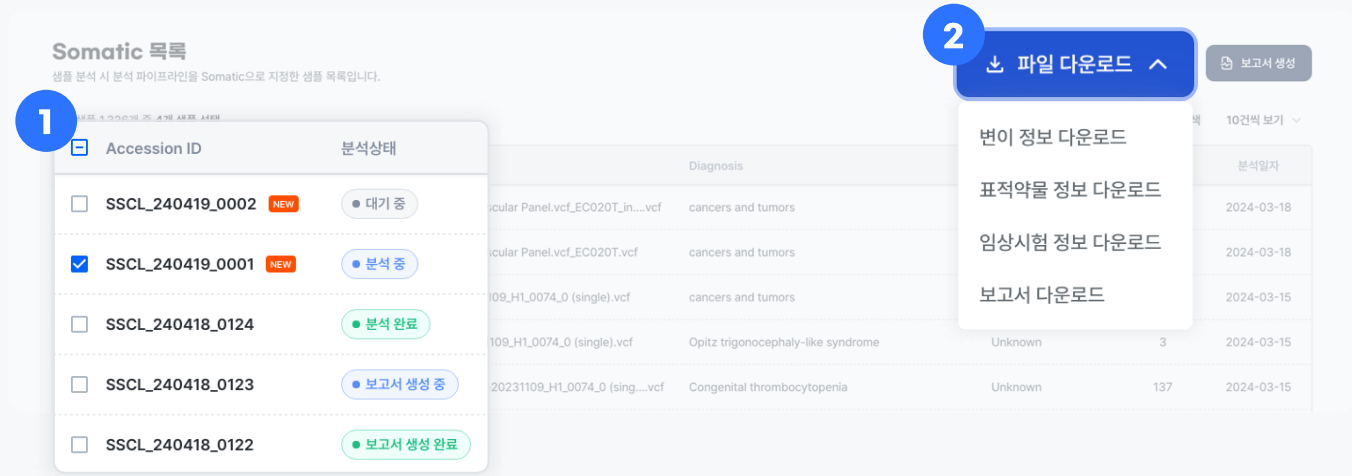
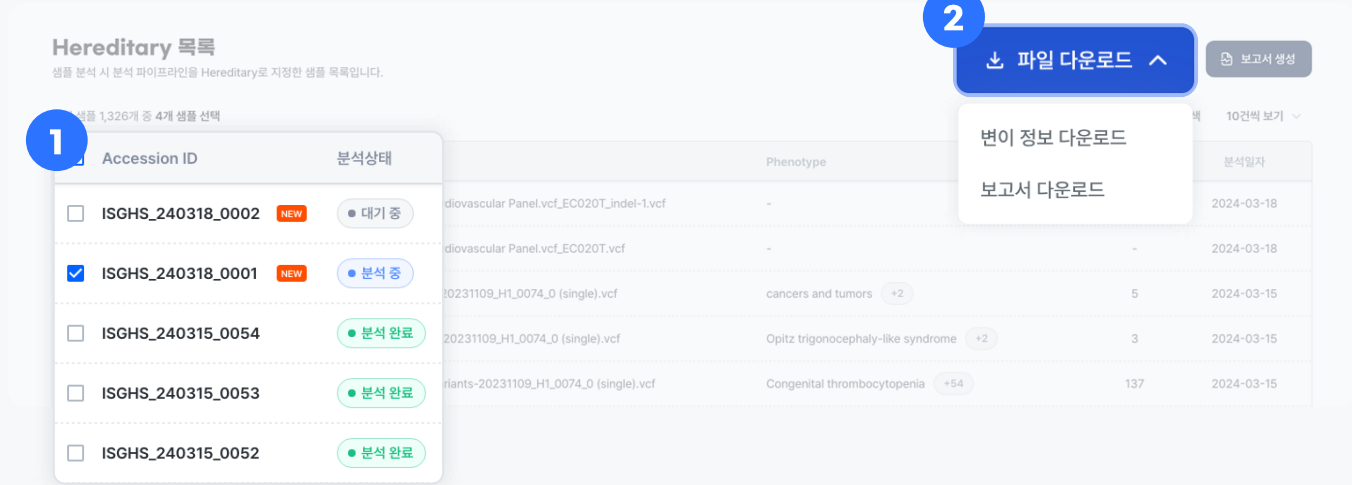
1 분석 상태 확인

분석이 완료되면 분석 상태가 변경되며, 각 Accession ID를 누르면 상세 정보를 확인할 수 있습니다.

2 파일 다운로드

Hereditary의 경우 선택된 Accession ID의 변이 정보를 엑셀 파일로 다운로드할 수 있으며, Somatic의 경우 변이 정보, 표적 약물 정보, 임상시험 정보 등을 엑셀 파일로 다운로드할 수 있습니다.

두 가지 파이프라인 모두 보고서를 생성한 후, 선택된 Accession ID의 보고서를 PDF파일로 다운로드할 수 있습니다.



GUIDE 4

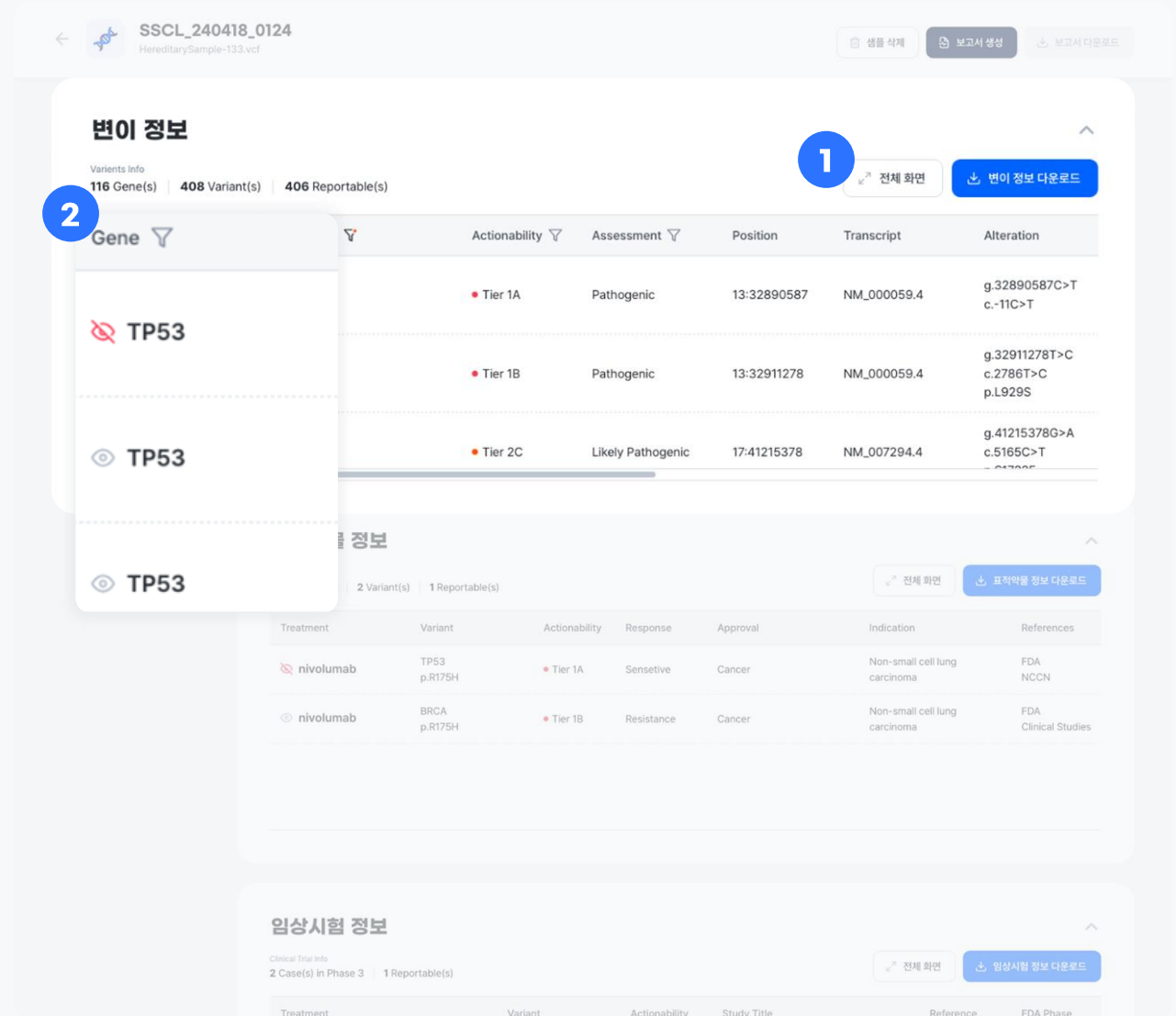
샘플 상세

1 전체 화면 모드

분석된 변이 정보는 전체 화면에서 더 큰 테이블로 확인할 수 있습니다.

2 변이 정보 필터링

원하는 변이 정보만 필터링하여 보고서를 생성하거나 엑셀 파일로 다운로드할 수 있습니다.



GUIDE 5

보고서 생성하기

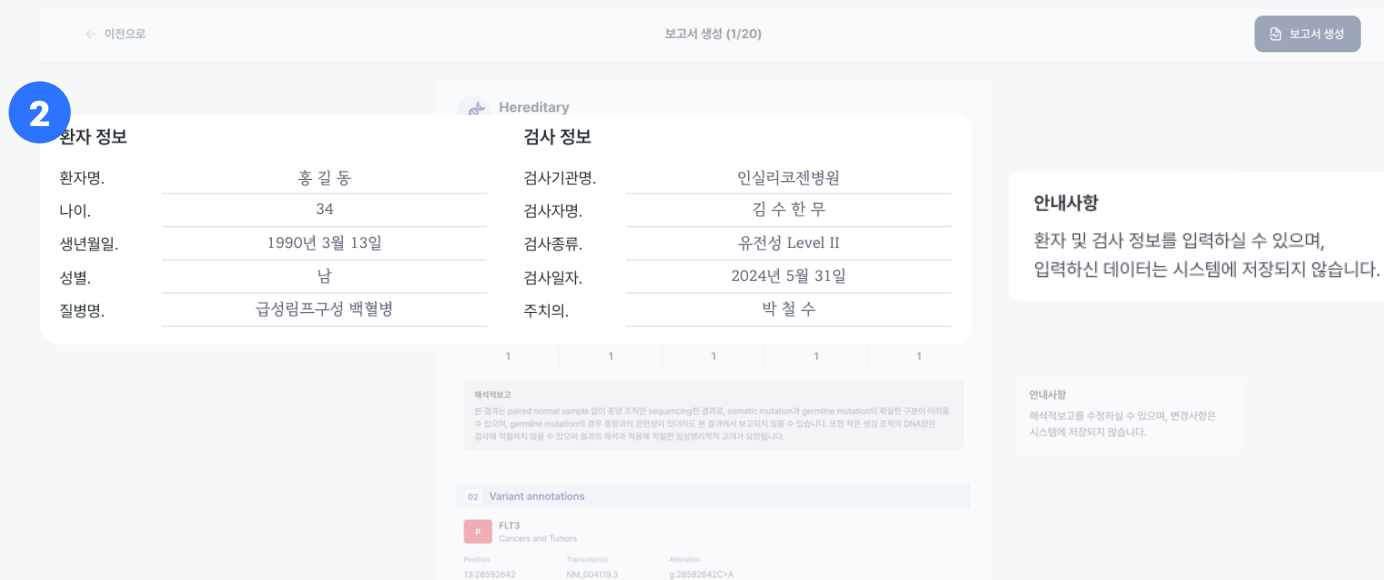
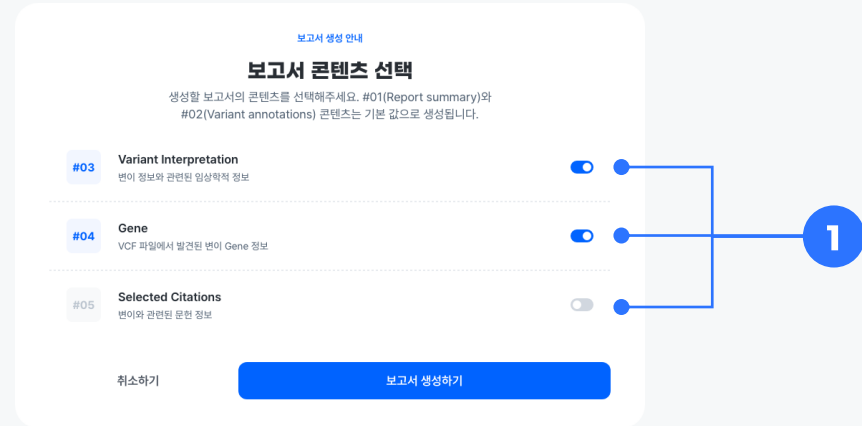
1 보고서 콘텐츠 선택

보고서를 생성할 때 필요한 콘텐츠를 선택할 수 있습니다.

Hereditary 보고서의 경우 Variant Interpretations, Gene, Selected Citations을 선택할 수 있으며, Somatic 보고서의 경우 Treatment Options, Available Clinical Trials을 추가로 선택할 수 있습니다.

2 환자 및 검사 정보

환자 또는 검사자 정보 등 개인정보는 보고서 생성 시에만 사용되며, 시스템에는 저장되지 않아 안전합니다.



GUIDE 6

보고서 예시

1 보고서 커스터마이징 서비스

보고서 템플릿은 기관별 요구사항에 따라 수정 및 변경할 수 있습니다.

맞춤형 보고서가 필요하시면 커스터마이징 서비스를 문의해주세요!

1



Hereditary
HereditarySample-133.vcf

환자 정보		검사 정보	
환자명.	홍길동	검사기관명.	인실리코젠병원
나이.	34	검사자명.	김수한 무
생년월일.	1990년 3월 13일	검사종류.	유전성 Level II
성별.	남	검사일자.	2024년 5월 31일
질병명.	급성림프구성 백혈병	주치의.	박철수

01 Report summary

● Pathogenic	● Likely Pathogenic	● VUS	● Likely Benign	● Benign
1	1	1	1	1

해석적보고

본 결과는 paired normal sample 없이 종양 조직만 sequencing한 결과로, somatic mutation과 germline mutation의 확실한 구분이 어려울 수 있으며, germline mutation의 경우 종양과의 관련성이 있더라도 본 결과에서 보고되지 않을 수 있습니다. 또한 작은 생김 조직의 DNA양은 검사에 적절하지 않을 수 있으며 결과의 해석과 적용에 적절한 임상병리학적 고려가 요망됩니다.

02 Variant annotations

P

FLT3
Cancers and Tumors

Position	Transcript(s)	Alteration
13:28592642	NM_004119.3	g.28592642C>A c.2503G>T p.D835Y

Mode of Inheritance	Impact	Function	CADD Score	Population Frequency
-	Missense	Gain N/A	32.88%	0% gnomAD

HGMD Accession	Variant Findings	Publications
-	1422	983

ireport H by Insilicogen, Inc.
1 / 6
2024/03/08 09:12:06

1



Somatic
SomaticSample-133.vcf

환자 정보		검사 정보	
환자명.	홍길동	검사기관명.	인실리코젠병원
나이.	34	검사자명.	김수한 무
생년월일.	1990년 3월 13일	검사종류.	비유전성 고통암 유전자 패널 II 검사
성별.	남	검사일자.	2024년 5월 31일
질병명.	Small Cell Lung Carcinoma	주치의.	박철수

01 Report summary

● Tier I Variants of Strong Clinical Significance	● Tier II Variants of Potential Clinical Significance	● Tier III Variants of Unknown Clinical Significance	● Tier IV Benign or Likely Benign Variants
1	3	0	0

해석적보고

본 결과는 paired normal sample 없이 종양 조직만 sequencing한 결과로, somatic mutation과 germline mutation의 확실한 구분이 어려울 수 있으며, germline mutation의 경우 종양과의 관련성이 있더라도 본 결과에서 보고되지 않을 수 있습니다. 또한 작은 생김 조직의 DNA양은 검사에 적절하지 않을 수 있으며 결과의 해석과 적용에 적절한 임상병리학적 고려가 요망됩니다.

02 Variant Summary

Variant	Approved treatment(s)	Other treatment(s)	Clinical Trials
KRAS ● Tier 1A Pathogenic, p.G12C	adagrasib sotorasib	Resistance: afatinib, erlotinib, gefitinib, osimertinib	3 of Phase 3 2 of Phase 2/3
ATM ● Tier 2C Pathogenic, p.Q2942*	-	NCCN Recommended: enzalutamide /talazoparib, olaparib	1 of Phase 2
CDKN2A ● Tier 2C Likely Pathogenic, p.D125N	-	-	1 of Phase 2
CDKN2A ● Tier 2C Pathogenic, p.E120*	-	-	1 of Phase 2

ireport H by Insilicogen, Inc.
1 / 12
2024/04/18 09:12:06

ireport H 서비스에 대하여 궁금한 점은 언제든지 문의해주세요.

TEL 031-278-0061

E-MAIL consulting@insilicogen.com

WEB <https://insilicogen.com/service/detail/238>

(16954) 경기도 용인시 기흥구 흥덕1로 13 흥덕IT밸리 타워A동 2901~2904, 2906호

Insilicogen, Inc.

